

TEMA 1. ¿Qué es una filogenia molecular y para qué sirve?

- AVISE, J.C. 2009. Phylogeography: retrospect and prospect. *Journal of Biogeography* 36: 3-15.
- CRANDALL, K.A., BININDA-EMONDS, O.R.P., MACE, G.M. AND R.K. WAYNE. 2000. Considering evolutionary processes in conservation biology. *Trends in Ecology and Evolution* 15: 290-295.
- RICKLEFS, R.E. 2007. Estimating diversification rates from phylogenetic information. *Trends Ecology and Evolution* 22: 601-610.
- RONQUIST, F. 2012. Sistemática: reconstruir el árbol de la vida. En Vargas & Zardoya [eds.] *El Árbol de la Vida: sistemática y evolución de los seres vivos*. Reverté, Barcelona, España.
- RONQUIST, F. AND I. SANMARTÍN. 2011. Phylogenetic methods in historical biogeography. *Annual Review of Ecology, Evolution and Systematics* 42: 441-464.
- SCHAAL, B.A., HAYWORTH, D.A., OLSEN, K.M., RAUSCHER, J.T., AND W.A. SMITH. 1998. Phylogeographic studies in plants: Problems and prospects. *Molecular Ecology* 7: 465-474.

TEMA 2.1. Breve introducción a las técnicas y métodos de reconstrucción filogenética

- HEULSENBECK, J.P., RONQUIST, F., NIELSEN, R. AND J.P. BOLLBACK. 2001. Bayesian Inference of Phylogeny and its impact on evolutionary biology. *Science* 294: 2310-2314.
- LEWIS, P.O. 2001. Phylogenetic systematic turns over a new leaf. *Trends in Ecology and Evolution* 16: 30-37.
- POSADA D. 2012. Reconstrucción de árboles filogenéticos. En *El Árbol de la Vida: sistemática y evolución de seres vivos*, P. Vargas & R. Zardoya Eds. Reverté, España.
- SWOFFORD, D.L., OLSEN, G.J., WADDELL, P.J., AND D.M. HILLIS. 1996. Phylogenetic Inference. En Hillis et al. [eds.] *Molecular Systematics*. Sinauer Associates, Sunderland.

TEMA 2.2. Puntos clave en el diseño y elaboración de una filogenia molecular

- CATALÁN P. AND F. GONZÁLEZ-CANDELAS. 2012. Técnicas y marcadores filogenéticos. En *El Árbol de la Vida: sistemática y evolución de seres vivos*, P. Vargas & R. Zardoya Eds. Reverté, España.
- DOYLE J. J. 1992. Gene trees and species trees: Molecular systematics as one-character taxonomy. *Systematic Botany* 17: 144-163.
- HILLIS D. M., C. MORITZ, AND B. K. MABLE. 1996. *Molecular Systematics*. Sinauer Associates, Sunderland. Pp. 665.

TEMA 3.4. Selección del modelo evolutivo que mejor se ajuste a nuestros datos

- POSADA D. 2004. Model selection and model averaging in phylogenetics: advantages of Akaike Information Criterion and Bayesian Information Criterion over Likelihood Ratio Tests. *Systematic Biology* 53: 793-808.
- SWOFFORD, D.L., OLSEN, G.J., WADDELL, P.J., AND D.M. HILLIS. 1996. Phylogenetic Inference. En Hillis et al. (eds.) *Molecular Systematics*. Sinauer Associates, Sunderland.