

## AUTOEVALUACIÓN

### TEMA 3.1. Obtención de secuencias

*Autoevaluación 3.1.1.* Haz una búsqueda para ver si hay secuencias en el *GenBank* de la región del ADN nuclear ITS (*Internal Transcribed Spacer*) de *Reseda*. ¿Cuántas encuentras?

*Autoevaluación 3.1.2.* Haz una búsqueda para ver si hay secuencias en el *GenBank* del espaciador plastidial *trnL*F de *Reseda*. ¿Cuántas encuentras?

*Autoevaluación 3.1.3.* Has estado trabajando en el laboratorio para conseguir una secuencia de *trnL*F (véase abajo) y aumentar así el muestreo en tu filogenia de la sect. *Glaucorese*da. Sin embargo, no consigues alinearla de ninguna manera con las otras secuencias que te has bajado del *GenBank* ya que no se encuentran posiciones homólogas. ¿Qué crees que puede haber pasado y cómo lo confirmarías?

```
TTGACTCCCTTATTTTTATCCTATCCTTTTTTCGTTAGCAGTTAAAAATTCGTTATC
TTTATTCATACTGAACTTACAAAGTCTTCCTTTTTTGAAGATCCAAGAAATTCTAG
GACCTGGATAAGACTTTGTAATACCATTTCATTGACATATAATTGATAATTGACAT
AGACCCAAGTTTTCTAGTAAAATGAGGATGCGGCA TCGGGAATGG TCGGGATA
```